Approches Particulaires de la Statistique des HMM Applications en Biologie

Jean-Pierre Vila

INRA - UMR MISTEA

- A propos de quelques problèmes en biologie / écologie
- Une structure commune
- Approches actuelles
- Applications Microbiologiques
- Extensions Inférentielles
- Perspectives

Dépollution anaérobie (collaboration LBE-INRA)

Objectifs:

- Identification du système
- Contrôle prédictif
- Surveillance (dysfonctionnement)

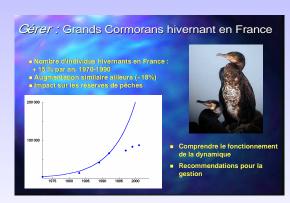
Informations disponibles: *mesures indirectes par capteur*



Dynamique de Populations Animales (col. : CNRS)

Objectifs:

- Identification de systèmes
- Inférence paramétrique
- Sélection statistique de modèle



Informations disponibles:

comptages après capture-bagage-recapture

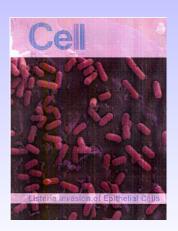


Microbiologie Prévisionnelle (ARC EPS: INRIA, INRA, ENV-Alfort, LUBEM)

Objectifs:

- Identification de systèmes dynamiques bactériens
- prédiction d'évolution analyse de risque
- Sélection statistique de modèle

Informations disponibles:



comptages sur milieu de culture, après série de prélèvements-dilutions

Un modèle commun: HMM

Système à espace d'état non linéaire observé indirectement :

$$egin{aligned} ig(oldsymbol{S} ig) \ ig(oldsymbol{x}_t &\sim \ q_t(.|x_{t-1}, heta) \ y_t &\sim \ g_t(.|x_t, heta) \end{aligned} egin{aligned} oldsymbol{x}_t &= \ f_t(x_{t-1}, heta, heta_t) \ y_t &= \ r_t(x_t, heta, heta_t) \end{aligned} \ oldsymbol{x} &\in oldsymbol{R}^d, \ \ heta \in oldsymbol{R}^p, \ \ y \in oldsymbol{R}^s \end{aligned}$$

Problème :

$$g_t(.|x_t,\theta)$$
:

Un modèle commun: HMM

Système à espace d'état non linéaire observé indirectement :

$$egin{aligned} & (\mathcal{S}) \ & \{x_t \sim q_t(.|x_{t-1}, heta) \ y_t \sim g_t(.|x_t, heta) \end{aligned} egin{aligned} & \{x_t = f_t(x_{t-1}, heta,\epsilon_t) \ y_t = r_t(x_t, heta,\eta_t) \end{aligned} \ & x \in I\!\!R^d, \;\; heta \in I\!\!R^p, \;\; y \in I\!\!R^s \end{aligned}$$

Problème

$$g_t(.|x_t,\theta)$$
: '

Un modèle commun: HMM

Système à espace d'état non linéaire observé indirectement :

$$egin{aligned} & (\mathcal{S}) \ & \{x_t \sim q_t(.|x_{t-1}, heta) \ y_t \sim g_t(.|x_t, heta) \end{aligned} egin{aligned} & \mathsf{ou} \ & \{x_t = f_t(x_{t-1}, heta,\epsilon_t) \ y_t = r_t(x_t, heta,\eta_t) \end{aligned} \ & x \in I\!\!R^d, \ \ heta \in I\!\!R^p, \ \ y \in I\!\!R^s \end{aligned}$$

Problème:

$$g_t(.|x_t,\theta)$$
:?

inadaptation des techniques classiques

- d'identification(MC, MV, EM, MCMC, Filtrage...)
- d'inférence (test de rapport de vraisemblances,...)
- de comparaison/sélection de modèles (AIC, BIC, Facteur de Bayes,...)
- de détection de rupture de modèle (test CUSUM,...)

Des approches actuelles :

Des approches actuelles :

Méthodes SMC-ABC:

Del Moral et al. 2011, Jasra et al. 2011

Principe de base :

Echantillonnages SMC dans des approximations ABC d'une succession de densités cibles

Des approches actuelles :

Filtrage à Convolution de Particules

Principe de base :

Estimations récursives non paramétriques des densités conditionnelles des variables d'état et des paramètres

Filtrage à Convolution de Particules :

Filtrage à Convolution de Particules :

Objectif 1 : estimation en tout temps *t* de

▶
$$p_t(x_t|y_1,...,y_t)$$
 et $E(x_t|y_1,...,y_t)$

$$\triangleright p_t(\theta_t|y_1,\ldots,y_t)$$
 et $\mathsf{E}(\theta_t|y_1,\ldots,y_t)$

Filtrage à Convolution de Particules :

Objectif 2 : combinaison avec les méthodes

- d'inférence statistique
- de comparaison/sélection de modèles
- de détection statistique de rupture de modèle
- de contrôle stochastique

Filtrage et extensions statistiques :

Projet en développement :

Plate-forme logicielle FILTREX

Exemple:

Filtre à convolution de particules avec ré-échantillonnage

A chaque instant t > 0:

- 1. Prédiction : simulation de n particules $(\tilde{x}_t^i, \tilde{\theta}_t^i) \sim p_t^n(x, \theta|y_{1:t-1}), i = 1, ..., n$:
 - si t=1: $ilde{\mathbf{x}}_1^i \sim q_1(x_0^i, \mathbf{\theta}_0^i), \quad ilde{\mathbf{\theta}}_1^i = \mathbf{\theta}_0^i, \quad ilde{\mathbf{y}}_1^i \sim g_1(.|\tilde{\mathbf{x}}_1^i, \tilde{\mathbf{\theta}}_1^i)$
- $\begin{array}{l} \mathbf{\hat{s}} \ i \ t > 1 : \\ (x_{t-1}^i, \theta_{t-1}^i) \ \sim \ p_{t-1}^n(x, \theta|y_{1:t-1}) \\ \tilde{\mathbf{x}}_t^i \ \sim \ q_t(x_{t-1}^i, \theta_{t-1}^i), \ \ \tilde{\mathbf{\theta}}_t^i = \theta_{t-1}^i, \ \ \tilde{\mathbf{y}}_t^i \ \sim \ g_t(.|\tilde{\mathbf{x}}_t^i, \tilde{\mathbf{\theta}}_t^i) \end{array}$

A chaque instant t > 0:

2. Correction:

$$p_{t}^{n}(x|y_{1:t}) = \frac{\sum_{i=1}^{n} K_{h}^{y}(\tilde{y}_{t}^{i} - y_{t}) K_{h}^{x}(\tilde{x}_{t}^{i} - x)}{\sum_{i=1}^{n} K_{h}^{y}(\tilde{y}_{t}^{i} - y_{t})}$$

$$\rho_t^n(\theta|y_{1:t}) = \frac{\sum_{i=1}^n K_h^y(\tilde{y}_t^i - y_t) K_h^\theta(\tilde{\theta}_t^i - \theta)}{\sum_{i=1}^n K_h^y(\tilde{y}_t^i - y_t)}$$

$$t = t+1$$

Convergences fonctionnelles L_1 p.s

$$\begin{cases} \lim_{n\to\infty} \frac{nh_n^{s+d+p}}{\log n} = \infty \\ \lim_{n\to\infty} h_n = 0 \end{cases} \Longrightarrow$$

$$\lim_{n\to\infty} \|p_t^n(x|y_{1:t}) - p_t(x|y_{1:t})\|_{L^1} = 0$$
 p.s.

$$\lim_{n\to\infty} \|p_t^n(\theta|y_{1:t}) - p_t(\theta|y_{1:t})\|_{L_1} = 0$$
 p.s.

(Rossi & Vila 2005, 2006)



Convergences ponctuelles p.s.

$$\begin{cases} h_n = O(n^{-\beta/(s+d+2p)}) \\ 0 < \beta < 1/2 \end{cases} \Longrightarrow$$

$$\lim_{n\to\infty} p_t^n(x|y_{1:t}) = p_t(x|y_{1:t})$$
 p.s. $\lim_{n\to\infty} p_t^n(\theta|y_{1:t}) = p_t(\theta|y_{1:t})$ p.s.

(Vila 2011)

Convergences ponctuelles p.s.

$$\forall t \text{ soit } \widehat{x}_t^n = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^n x_t^i \quad \text{et } \widehat{\theta}_t^n = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^n \theta_t^i$$
 alors

$$\lim_{n\to\infty} |\widehat{x}_t^n - \mathbb{E}[x_t|y_{1:t}]| = 0 \quad \text{p.s.}$$

$$\lim_{n\to\infty} |\widehat{\theta}_t^n - \mathbb{E}[\theta_t|y_{1:t}]| = 0 \quad \text{p.s.}$$

De plus:

$$\lim_{t\to\infty} \mathrm{I\!E}[\theta|y_{1:t}] = \theta^* \quad \text{p.s.} \quad \Longrightarrow \quad \lim_{n,t\to\infty} |\widehat{\theta}_t^n - \theta^*| \, = \, 0 \quad \text{p.s.}$$

PROBLEMATIQUE MICROBIOLOGIQUE

Milieu d'origine : substrat alimentaire

Ex: contamination par Listeria Monocytogenes





Recueil de données

Séries de prélèvements et de dilutions successives

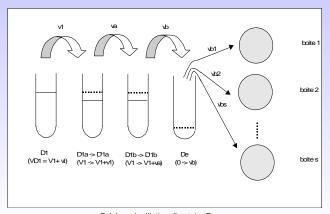
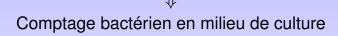


Schéma de dilution d'un tube $\mathsf{D}_1.$



Recueil de données - suite





Chapitre 5

Dynamique de Listeria Monocytogenes

Modèle Primaire: Modèle de Baranyi II

$$\lambda_{t+1} = \delta x_0 \exp(\mu_{max} A_t) \frac{1}{B_t} \left(\mu_{max} \frac{dA_t}{dt} - \frac{dB_t}{dt} \frac{1}{B_t}\right) + x_t + \varphi_t$$

avec

Sommaire

$$A_t = t + \frac{1}{\mu_{max}} \ln(\exp(-\mu_{max} \ t) + \exp(-\mu_{max} \ \lambda) - \exp(-\mu_{max} \ t - \mu_{max} \ \lambda))$$

$$B_t = 1 + \frac{\exp(\mu_{max} A_t) - 1}{\frac{x_{max}}{x_0}}$$

Comptage: $y_{t+1} \sim g_{t+1}(.|x_{t+1},x_0,x_{max},\mu_{max},\lambda)$

Chapitre 5

Dynamique de *Listeria Monocytogenes*

Modèle Primaire : Modèle de Baranyi II

$$\lambda_{t+1} = \delta x_0 \exp(\mu_{max} A_t) \frac{1}{B_t} \left(\mu_{max} \frac{dA_t}{dt} - \frac{dB_t}{dt} \frac{1}{B_t}\right) + x_t + \varphi_t$$

avec

Sommaire

$$A_t = t + \frac{1}{\mu_{max}} \ln(\exp(-\mu_{max} \ t) + \exp(-\mu_{max} \ \lambda) - \exp(-\mu_{max} \ t - \mu_{max} \ \lambda))$$

$$B_t = 1 + \frac{\exp(\mu_{max} A_t) - 1}{\frac{x_{max}}{x_0}}$$

Dynamique de Listeria Monocytogenes

Modèle Primaire: Modèle de Baranyi II

- $\begin{array}{l} \boldsymbol{x}_{t+1} = \\ \delta \, \boldsymbol{x}_0 \, \exp(\mu_{max} \, A_t) \, \frac{1}{B_t} \left(\mu_{max} \, \frac{dA_t}{dt} \frac{dB_t}{dt} \, \frac{1}{B_t}\right) + \boldsymbol{x}_t + \boldsymbol{\varphi}_t \\ \text{avec} \end{array}$
- $A_t = t + \frac{1}{\mu_{max}} \ln(\exp(-\mu_{max} \ t) + \exp(-\mu_{max} \ \lambda) \exp(-\mu_{max} \ t \mu_{max} \ \lambda))$
- $B_t = 1 + \frac{\exp(\mu_{max} A_t) 1}{\frac{x_{max}}{x_0}}$

Sommaire

Comptage: $y_{t+1} \sim g_{t+1}(.|x_{t+1},x_0,x_{max},\mu_{max},\lambda)$

Chapitre 5

Dynamique de *Listeria Monocytogenes*

Modèle Primaire : Modèle de Baranyi II

$$\lambda_{t+1} = \delta x_0 \exp(\mu_{max} A_t) \frac{1}{B_t} \left(\mu_{max} \frac{dA_t}{dt} - \frac{dB_t}{dt} \frac{1}{B_t}\right) + x_t + \varphi_t$$
avec

$$A_t = t + \frac{1}{\mu_{max}} \ln(\exp(-\mu_{max} \ t) + \exp(-\mu_{max} \ \lambda) - \exp(-\mu_{max} \ t - \mu_{max} \ \lambda))$$

$$B_t = 1 + \frac{\exp(\mu_{max} A_t) - 1}{\frac{x_{max}}{x_0}}$$

Sommaire

Chapitre 5

Dynamique de Listeria Monocytogenes

Modèle Primaire: Modèle de Baranyi II

- $\lambda_{t+1} = \delta x_0 \exp(\mu_{max} A_t) \frac{1}{B_t} \left(\mu_{max} \frac{dA_t}{dt} \frac{dB_t}{dt} \frac{1}{B_t}\right) + x_t + \varphi_t$ avec
- $A_t = t + \frac{1}{\mu_{max}} \ln(\exp(-\mu_{max} \ t) + \exp(-\mu_{max} \ \lambda) \exp(-\mu_{max} \ t \mu_{max} \ \lambda))$
- $B_t = 1 + \frac{\exp(\mu_{max} A_t) 1}{\frac{x_{max}}{x_0}}$

Comptage: $y_{t+1} \sim g_{t+1}(.|x_{t+1},x_0,x_{max},\mu_{max},\lambda)$

Données: ENV-Alfort (J.C. Augustin)

Données: ENV-Alfort (J.C. Augustin)

Protocole:

- 10 instants de prélèvement (heures) : 1,72,120,168,240,264,288,336,408, 504.
- 3 prélèvements par instants.
- Facteurs de dilution : 1(1-120), 0.1(168), 10^{-3} (240 264), 10^{-4} (288 408), 10^{-5} (504).

Données : ENV-Alfort (J.C. Augustin)

Lois a priori:

- $\mu_{max} \sim U [0.01 2.]$
- $\rightarrow \lambda \sim U [20. 50.]$
- $x_0 \sim U [100 400]$
- $x_{max} \sim U [10^8 10^9]$

Données : ENV-Alfort (J.C. Augustin)

Pas de temps du filtrage :

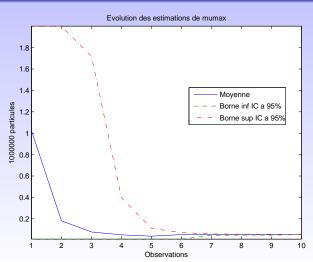
 $\delta = 24h$.

Données : ENV-Alfort (J.C. Augustin)

Nombre de particules :

$$n = 10^5$$
.

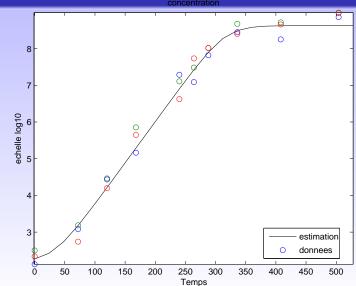
Identification du modèle de Baranyi : Estimation par filtrage de μ_{max} : 0.051780





Sommaire Chapitre 1 Chapitre 2 Chapitre 3 Chapitre 4 Chapitre 5 Chapitre 5

Résultats du filtrage : estimation de la cinétique de Baranyi

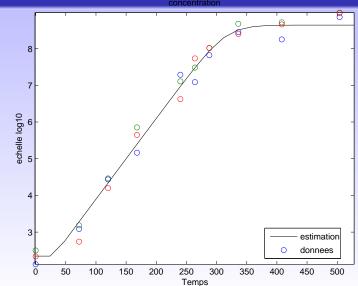


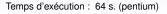




Sommaire Chapitre 1 Chapitre 2 Chapitre 3 Chapitre 4 Chapitre 5 Chapitre 5

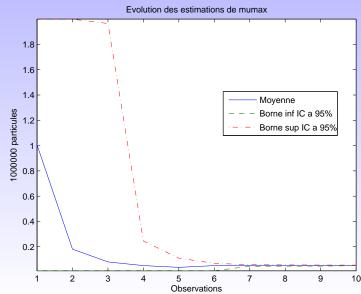
Résultats du filtrage : estimation de la cinétique de Rosso







Estimation finale de μ_{max} : 0.050686





Extensions inférentielles du filtrage à convolution

Extensions inférentielles du filtrage à convolution

- Sélection bayésienne de modèles : estimation particulaire de Facteurs de Bayes
- ► Construction de prédicteurs particulaires à k pas en avant : $p_{t+k}^n(x|y_1,...,y_t)$ et $p_{t+k}^n(\theta|y_1,...,y_t)$
- Détection de rupture de modèle (test séquentiel CUSUM,...)

Comparaison / Sélection bayésienne particulaire de modèles dynamiques

- ► Soit : M_1 , M_2 deux modèles probabilistes candidats.
- ▶ Soit : $Y = (y_1, ..., y_T) = y_{1:T}, T$ observations.

Comparaison / Sélection bayésienne particulaire de modèles dynamiques

- ► Soit : M_1 , M_2 deux modèles probabilistes candidats.
- Soit: $Y = (y_1, ..., y_T) = y_{1:T}, T$ observations.

Rappel: Facteur de Bayes

$$B_{12} = \frac{p_1(Y)}{p_2(Y)}$$

avec
$$p_i(Y) = \int_{\Theta_i} p_i(Y|\theta) p_i(\theta) d\theta$$
 $i = 1, 2.$

Comparaison / Sélection de Modèles - suite

Remarque:

$$p(Y) = p(y_{1:T}) = p(y_1) \prod_{t=1}^{t=T-1} p(y_{t+1}|y_{1:t})$$

Comparaison / Sélection de Modèles - suite

Remarque:

$$p(Y) = p(y_{1:T}) = p(y_1) \prod_{t=1}^{t=T-1} p(y_{t+1}|y_{1:t})$$

⇒ Estimation convergente du Facteur de Bayes :

$$B_{12}^n = \frac{p_1^n(Y)}{p_2^n(Y)} \stackrel{n \to \infty}{\longrightarrow} B_{12} = \frac{p_1(Y)}{p_2(Y)} \quad p.s.$$

avec

$$p^{n}(Y) = p_{1}^{n}(y_{1})\Pi_{t=1}^{t=T-1}p_{t+1}^{n}(y_{t+1}|y_{1:t}), i = 1,2$$

et
$$p_{t+1}^n(y_{t+1}|y_{1:t}) = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^n K_{h_n}^y(y_{t+1} - \tilde{y}_{t+1}^i)$$

Application: Comparaison Baranyi / Rosso

$$B_{B/R}^{n}(t) = \frac{p_{Baranyi}^{n}(y_{0:t})}{p_{Rosso}^{n}(y_{0:t})}$$

Pour $n = 10^4$ t = 1, 72, 120, 168, 240, 264, 288, 336, 408, 504:

t	1	72	120	168	240
$B_{B/R}^n(t)$	0.934	0.938	0.941	0.944	0.944

t	264	288	336	408	504
$B_{B/R}^{n}(t)$	0.925	0.889	0.922	0.591	0.817

Objectifs : Favoriser l'estimation des paramètres par filtrage

choix des instants d'observations?

Principe : Maximisation séquentielle de coefficients de sensibilité.

 \implies Accélération du rétrécissement des densités conditionnelles $p_t(\theta|y_0,\ldots,y_t)$ autour de leurs modes.

Pour H temps d'observations futurs $\in [0, T]$ et $t_H \leq T$:

- Soit $(t_1^*, t_2^*, ..., t_H^*) = \underset{t < t_1 < t_2 < ... < t_{H-1} < t_H < T}{\operatorname{arg max}} C(t_1, t_2, ..., t_{H-1}, t_H)$ avec $C(t_1, t_2, ..., t_{H-1}, t_H) = \sum_{j=1}^{j=H} K(t_j)$. $t \leftarrow t_1^*$ $H \leftarrow H 1$
- Observation de y_t tant que H > 0 aller à 1.

Choix de K:

$$K(t) = Q(t)^T Q(t)$$

avec $Q(t) = \left(S_1(t), S_2(t), \dots, S_j(t), \dots, S_p(t)\right).$

et
$$S_j(t) = \frac{\text{Var}(E[y_t|\theta_{j,t}])}{\text{Var}(y_t)}$$

(coefficient de sensibilité de Sobol).

 $S_j(t)$, j = 1,...,p: estimés par simulation particulaire à partir de $p_t^n(\theta_t|y_{t_1},y_{t_2},...,y_t)$.

Recherche d'un plan d'échantillonnage optimal selon le modèle de Baranyi

Domaine paramétrique :

$$\begin{array}{l} [140;260]_{\chi_0}; \ \left[0.5\times 10^8;10\times 10^8\right]_{\chi_{\text{max}}}; \\ [0.01;0.09]_{\mu_{\text{max}}}; \ \left[10;110\right]_{\lambda} \end{array}$$

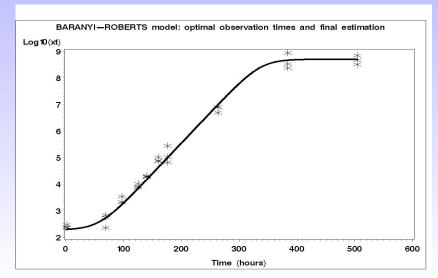
Simulation de croissance avec :

$$x_0 = 200, \ x_{max} = 5 \times 10^8, \ \mu_{max} = 0.05, \ \lambda = 50.$$

 \implies Plan optimal pour le filtrage (pour H = 10):

 $t^* = 2,69,97,125,140,160,176,263,384,504$







Résultats:

(vraies valeurs : $x_0 = 200$, $x_{max} = 5 \times 10^8$, $\mu_{max} = 0.050$, $\lambda = 50$)

paramètre	<i>x</i> ₀	X _{max}	μ_{max}	λ
estimation	198	5.6 × 10 ⁸	0.051	51.6
borne inférieure	193	5.3×10^{8}	0.049	48.6
borne supérieure	204	5.8×10^{8}	0.053	54.6

Résultats :

(vraies valeurs :
$$x_0 = 200$$
, $x_{max} = 5 \times 10^8$, $\mu_{max} = 0.050$, $\lambda = 50$)

paramètre	<i>x</i> ₀	X _{max}	μ_{max}	λ
estimation	198	5.6 × 10 ⁸	0.051	51.6
borne inférieure	193	5.3×10^{8}	0.049	48.6
borne supérieure	204	5.8×10^{8}	0.053	54.6

A comparer à ceux obtenus par le protocole initial des microbiologistes :

paramètre	<i>x</i> ₀	X _{max}	μ_{max}	λ
estimation	196	5.85 × 10 ⁸	0.054	65.1
borne inférieure	191	5.7×10^{8}	0.053	61.7
borne supérieure	200	6.0×10^{8}	0.055	68.5

Résultats :

(vraies valeurs :
$$x_0=200,\ x_{max}=5\times 10^8,\ \mu_{max}=0.050,\ \lambda=50)$$
 :

paramètre	<i>x</i> ₀	X _{max}	μ_{max}	λ
estimation	198	5.6 × 10 ⁸	0.051	51.6
borne inférieure	193	5.3×10^{8}	0.049	48.6
borne supérieure	204	5.8×10^{8}	0.053	54.6

Résultats:

(vraies valeurs :
$$x_0=200,\ x_{max}=5\times 10^8,\ \mu_{max}=0.050,\ \lambda=50)$$
 :

paramètre	<i>x</i> ₀	X _{max}	μ_{max}	λ
estimation	198	5.6 × 10 ⁸	0.051	51.6
borne inférieure	193	5.3×10^{8}	0.049	48.6
borne supérieure	204	5.8×10^{8}	0.053	54.6

...et avec les estimations obtenues à partir d'un protocole naı̈f : 10 temps équidistribués entre t=0 et t=504 :

paramètre	<i>x</i> ₀	X _{max}	μ_{max}	λ
estimation	195	5.29 × 10 ⁸	0.055	64.0
borne inférieure	191	5.11×10^{8}	0.053	59.6
borne supérieure	199	5.47×10^{8}	0.056	68.4

Inférence

► Construction de *prédicteurs particulaires non* paramétriques à k pas en avant :

$$p_{t+k}^n(x|y_0,\ldots,y_t)$$
 et $p_{t+k}^n(\theta|y_0,\ldots,y_t)$

applications : prédiction de prolifération bactérienne ; contrôle prédictif.

Inférence

- ▶ Détection de rupture de modèle : test CUSUM
 - application projetée : variation inattendue des paramètres

Inférence:

Construction de prédicteurs particulaires non paramétriques à k pas en avant :

$$p_{t+k}^n(x|y_0,\ldots,y_t)$$
 et $p_{t+k}^n(\theta|y_0,\ldots,y_t)$

applications : prédiction de prolifération bactérienne ; contrôle prédictif.

Inférence :

- Détection de rupture de modèle : test CUSUM
 - application projetée : variation inattendue des paramètres

Inférence:

► Construction de *prédicteurs particulaires non* paramétriques à k pas en avant :

$$p_{t+k}^n(x|y_0,\ldots,y_t)$$
 et $p_{t+k}^n(\theta|y_0,\ldots,y_t)$

applications : prédiction de prolifération bactérienne ; contrôle prédictif.

Inférence:

- ▶ Détection de rupture de modèle : test CUSUM
 - application projetée : variation inattendue des paramètres

Chapitre 5

Autres Extensions

Sommaire

Chapitre 3

$$\tau_C = \inf\{t : \Gamma_t \ge \lambda\} \text{ avec } \Gamma_t = \max_{1 < j \le t} \sum_{i=j}^t Z_{i,j}$$

et
$$Z_{i,j} = \log \frac{p_{\theta_0,\theta_1,j}(y_i|y_{1:i-1})}{p_{\theta_0}(y_i|y_{1:i-1})}$$
,

estimé par :
$$Z_{i,j}^n = \log \frac{p_{\theta_0,\theta_1,j}^n(y_i|y_{1:i-1})}{p_{\theta_0}^n(y_i|y_{1:i-1})}$$

Inférence: Test CUSUM généralisé

Instant d'alarme τ_C :

$$\tau_C = \inf\{t : \Gamma_t \ge \lambda\} \text{ avec } \Gamma_t = \max_{1 < j \le t} \sum_{i=j}^t Z_{i,j}$$

et
$$Z_{i,j} = \log \frac{p_{\theta_0,\theta_1,j}(y_i|y_{1:i-1})}{p_{\theta_0}(y_i|y_{1:i-1})}$$
,

estimé par :
$$Z_{i,j}^n = \log \frac{p_{\theta_0,\theta_1,j}^n(y_i|y_{1:i-1})}{p_{\theta_0}^n(y_i|y_{1:i-1})}$$

Propriétés : optimalité asymptotique $(n \longrightarrow \infty)$.

Travaux en cours : contrôle prédictif par retour d'état filtré

Critère : en t = i, pour un horizon H

$$J_{H}(U_{j:j+H-1}) = \sum_{t=j}^{j+H-1} E \left[c_{t+1}(x_{t+1}, U_{t}) \mid y_{1:j}, u_{0:j-1}, U_{j}, \dots, U_{t-1}, U_{t} \right]$$

Algorithme

Sommaire

- $\bullet \text{ Soit } u_j^*, \dots, u_{j+H-1}^* = \operatorname{argmin}_{U_j, \dots, U_{j+H-1}} J_H$
- \circ appliquer le contrôle u_i^* au système
- \circ enregistrer y_{i+1} .
- i = i + 1. retour à 1.

Chapitre 5

Travaux en cours : contrôle prédictif par retour d'état filtré

Critère : en t = j, pour un horizon H

$$J_{H}(U_{j:j+H-1}) = \sum_{t=j}^{j+H-1} E\left[c_{t+1}(x_{t+1}, U_{t}) \mid y_{1:j}, u_{0:j-1}, U_{j}, \dots, U_{t-1}, U_{t}\right]$$

Algorithme

- Soit $u_j^*, ..., u_{j+H-1}^* = \operatorname{argmin}_{U_j, ..., U_{j+H-1}} J_{H_j}$
- \circ appliquer le contrôle u_i^* au système
- \odot enregistrer y_{i+1}
- \bullet i = i + 1. retour à 1.

Travaux en cours : contrôle prédictif par retour d'état filtré

Critère : en t = j, pour un horizon H

$$J_{H}(U_{j:j+H-1}) = \sum_{t=j}^{j+H-1} \mathsf{E}\Big[c_{t+1}(x_{t+1}, U_{t}) \mid y_{1:j}, \ u_{0:j-1}, \ U_{j}, \ldots, U_{t-1}, \ U_{t} \Big]$$

Algorithme:

- $\bullet \text{ Soit } u_j^*, \dots, u_{j+H-1}^* = \operatorname{argmin}_{U_j, \dots, U_{j+H-1}} J_H.$
- appliquer le contrôle u_i* au système
- \odot enregistrer y_{i+1} .
- \circ j = j + 1, retour à 1.

Extensions microbiologiques

Extensions microbiologiques

- Modélisation multi-espèce et inférence.
- Caractérisation de dysfonctionnements de dispositifs de conservation.
- Caractérisation et simulation d'évènements rares.
- Contrôle d'évolutions bactériennes critiques.

Publications

- Bidot, C., Gauchi, J.P., Vila, J.P. (2009). Identification de systèmes dynamiques microbiologiques complexes par filtrage non linéaire.
 41ième Journées de Statistique de la SFdS, Bordeaux.
- Gauchi, J.P., Bidot, C., Augustin, J.C., Vila, J.P. (2009). Identification of complex microbiological dynamic system by nonlinear filtering. 6th Int. Conference on Predictive Modelling in Foods, Washington DC.
- Gauchi, J.P., Vila, J.P., Coroller, L. (2010). New prediction confidence intervals and bands in the nonlinear regression model: Application to the predictive modelling in food. *Communications in Statistics*, Simulation and Computation, 39, 322-334.
- Gauchi, J.P., Vila, J.P. (2012). Nonparametric particle filtering approaches for identification and inference in nonlinear state-space dynamic systems. Statistics and Computing, DOI 10.1007/s11222-012-9327-7.
- Rossi, V. and Vila, J.P. (2005). Approche non paramétrique du filtrage de système non linéaire à temps discret et à paramètres inconnus, C.R. Acad. Sci. Paris, I, 340, 759-764.



Publications - suite

- Rossi, V. and Vila, J.P. 2006. Nonlinear filtering in discrete time: A particle convolution approach. Pub. Inst. Stat. Univ. Paris, L, 3, 71-102.
- Verdier, G., Hilgert, N., Vila, J.P. (2008). optimality of CUSUM rule approximations in change-point problems: Application to nonlinear state-space systems. *IEEE Trans. on Inf. Theory*, 54, 11, 5102-5112.
- Vila, J.P., Saley, I. (2009). Estimation de facteurs de Bayes entre modèles dynamiques non linéaires à espace d'état. C.R. Acad. Sci. Paris, Ser. I, 347, 429-434.
- Vila, J.P., (2011). Nonparametric multi-step prediction in nonlinear state space dynamic systems. Statistics and Probability Letters, 81, 71-76.
- Vila, J.P, Gauchi, J.P. (2011). Predictive control of stochastic nonlinear state space dynamic systems: a particle nonparametric approach. Technical Report, UMR MISTEA.
- Vila, J.P., (2012). Enhanced consistency of the Resampled Convolution Filter. Statistics and Probability Letters, 82, 786-797.



MERCI POUR VOTRE ATTENTION