

Cycle "Bioinformatique par la pratique" 2015

➤ Module 3 : Ressources Ensembl : Biomart et serveurs DAS

Public concerné

Personnel scientifique et technique

Pré requis

Travailler sur un des génomes complets proposés sur les sites d'Ensembl*.

Modalités pédagogiques

Théorie : 50% - Pratique : 50%

10 stagiaires par session

Chaque stagiaire disposera d'un poste informatique dédié.

Dates & horaires

Lundi 23 mars 2015
9H30 - 17H00

Durée

1 jour

Intervenant

Luc Jouneau

Tarif

175 euros HT

Modalités de paiement

Bon de commande (+TVA 20 % pour non INRA, sans TVA pour INRA).

Conditions d'annulation

En l'absence d'annulation par mail avant le **9 mars 2015**, le paiement sera dû.

Objectifs

Maîtriser les différentes possibilités d'interrogation et d'extraction de l'outil Biomart proposé sur le site Ensembl.

Paramétrer le navigateur « Genome browser » d'Ensembl pour visualiser des données personnelles en même temps que celles présentées par défaut.

*(<http://www.ensembl.org/info/about/species.html> et <http://www.ensemblgenomes.org/>)

NB - Biomart bacteria n'est plus supporté par Ensembl -

Programme

- Présentation de l'outil Biomart
- Extraction de séquences (génomique, cDNA, protéique, ...)
- Extraction de séquences orthologues d'une espèce donnée
- Extraction d'informations sur les SNPs
- Présentation du genome browser d'Ensembl
- Configuration du navigateur pour ajouter des thématiques non présentées par défaut
- Présentation des formats de fichiers d'annotation gff, BED, ...
- Principe d'un serveur d'annotation DAS
- Affichage des données d'un serveur DAS

Contacts & Informations

veronique.martin@jouy.inra.fr

Tél : 013465 2974

sophie.schbath@jouy.inra.fr

Tél : 013465 2890

Demande d'inscriptions en ligne

<http://migale.jouy.inra.fr/?q=formation>