

Cycle "Bioinformatique par la pratique" 2015

➤ Module 8bis : Analyse primaire de données issues de séquenceurs nouvelle génération sous Galaxy

Public concerné

Personnel scientifique et technique ayant à analyser des données issues de NGS.

Pré requis

Avoir suivi le module 17 [Galaxy] ou maîtriser l'utilisation de Galaxy

Modalités pédagogiques

Théorie : 40% - Pratique : 60%

10 stagiaires par session

Chaque stagiaire disposera d'un poste informatique dédié.

Dates & horaires

Mercredi 3 juin 2015 **9H00 – 18H00**

Durée

1 jour

Intervenant

Jean-François Gibrat/Valentin Loux/Véronique Martin

Tarif

175 euros HT

Modalités de paiement

Bon de commande (+TVA 20 % pour non INRA, sans TVA pour INRA).

Conditions d'annulation

En l'absence d'annulation par mail avant le **20 mai 2015**, le paiement sera dû.

Objectifs

Connaître les concepts et méthodes bioinformatiques utilisés pour l'analyse primaire de données issues de NGS. Application aux outils de mapping et d'assemblage.

Programme

Théorie

- Présentation des différents types de séquenceurs
- Applications biologiques des NGS
- Les grandes familles d'algorithmes de mapping de lectures courtes et les outils associés

Pratique Analyse des données de séquençage d'un génome bactérien

- Contrôle qualité
- Assemblage de-novo
 - Nettoyage des données
 - Assemblage
 - Visualisation et statistiques sur l'assemblage
- Comparaison à un génome de référence :
 - Mapping des lectures sur un génome proche
 - Visualisation du mapping

Tous les TPs seront réalisés sous l'environnement d'exécution de traitements Galaxy.

Contacts & Informations

veronique.martin@jouy.inra.fr

Tél : 013465 2974

sophie.schbath@jouy.inra.fr

Tél : 013465 2890

Demande d'inscriptions en ligne

<http://migale.jouy.inra.fr/?q=formations>