

Cycle "Bioinformatique par la pratique" 2017

Module 20 : Analyse de données métagénomiques 16S

Objectifs

Cette formation est dédiée à l'analyse de données de type "métagénomique amplicon" issues des technologies de séquençage 454 et Illumina. La formation couvre les grandes étapes d'un pipeline d'analyse bioinformatique sous Galaxy (FROGS) pour transformer les séquences en tables d'abondances puis présente des outils statistiques sous R (phyloseq) qui permettent de décrire et comparer les échantillons à partir de ces tables.

Programme

Jours 1 et 2 : Analyses Bioinformatiques sous Galaxy

- Introduction générale
- Brefs rappels sur l'environnement Galaxy
- Présentation des données issues des différentes technologies de séquençage
- Prétraitement des données
- Clustering des séquences, construction des OTUs
- Détection de chimères
- Annotation taxonomique
- Filtrage des données de comptages
- Outils de visualisation
- Construction de workflow et configuration de FROGS
- Limite des données et des méthodes

Jour 3 et 4 : Analyses Statistiques sous Rstudio

- Introduction générale
- Import, manipulation et visualisation des données
- Mesure de diversités : Unifrac, Bray-Curtis, etc.
- Ordination et réduction de dimension : MDS
- Clustering et Heatmap
- Comparaison d'échantillons : PERMANOVA, adonis

Pré requis - Avoir des bases en R

Dates & Horaires	Durée	Intervenants	Tarifs
20 juin 2017 : 10h ~ 18h	4 jours	Mahendra Mariadassou	325 euros HT (INRA)
21 juin 2017 : 9h ~ 18h		Anne-Laure Abraham	362 euros HT (hors INRA)
22 juin 2017 : 9h ~ 17h		Olivier Rué	
23 juin 2017 : 9h ~ 16h		Sandra Dérozier	

Modalités pédagogiques

Théorie : 50% - Pratique : 50% - 10 stagiaires par session - Chaque stagiaire disposera d'un poste informatique dédié.

Modalités de paiement

Uniquement par bon de commande

Conditions d'annulation

En l'absence d'annulation par mail avant le **6 juin 2017**, le paiement sera dû.

Contacts

veronique.martin@jouy.inra.fr Tél. : 013465 2974
 formation.migale@jouy.inra.fr
<http://migale.jouy.inra.fr/?q=fr/formations>