

# Cycle "Bioinformatique par la pratique" 2019

## Module 22 - Détection et analyse de variants génomiques

### Objectifs pédagogiques

---

A l'issue de la formation, les stagiaires connaîtront les différentes étapes à enchaîner pour obtenir une liste de variants génomiques par rapport à un génome de référence, à partir de données de séquençage Illumina. Ils auront lancé via Galaxy les outils choisis sur un jeu de données préparé pour cette formation. Ils connaîtront également les informations stockées dans les fichiers FASTQ, SAM, BAM et VCF et seront capables de les manipuler.

### Programme prévisionnel (peut évoluer à la marge selon les attentes du groupe)

---

- Introduction à Galaxy
- Contrôle qualité et préprocessing des données
- Mapping (BWA)
- Recherche de variants (GATK)
- Annotation de variants (SNPeff, SNPsift)
- Visualisation (IGV)

| Dates & Horaires                  | Durée   | Intervenants                 | Tarifs   |
|-----------------------------------|---------|------------------------------|--|
| 27 et 28 mai 2019<br>9H00 ~ 17h00 | 2 jours | Olivier Rué<br>Cédric Midoux | 225 euros HT (INRA)<br>250 euros HT (Académique non INRA)<br>500 euros HT (Non académique) |

### Modalités pédagogiques

---

Théorie : 50% - Pratique : 50% - 10 stagiaires par session - Chaque stagiaire disposera d'un poste informatique dédié.

### Modalités de paiement

---

Uniquement par bon de commande

### Conditions d'annulation

---

En l'absence d'annulation par mail avant le **13 mai 2019**, le paiement sera dû.

### Contacts

---

veronique.martin@inra.fr    Tél. : 013465 2974  
 formation.migale@inra.fr  
<http://migale.jouy.inra.fr/?q=fr/formations>